

ID: 399

Türkiye’deki Bazı Patates Çeşit ve Hatlarının Moleküler Karakterizasyonu ve Genetik Çeşitliliği**Dilek İŞLER^{*1}, Levent A. ÜNLENEN¹, Ufuk DEMİREL²**¹ Patates Araştırma Enstitüsü Müdürlüğü, Niğde² Niğde Ömer Halisdemir Üniversitesi, Tarım Bilimleri ve Teknolojileri Fakültesi, Tarımsal Genetik Mühendisliği Bölümü, Niğde^{*}Sorumlu Yazar: dilek.isler@tarimorman.gov.tr**Abstract**

Bu çalışmada, ticari çeşitlerin ve ıslah hatlarının bulunduğu toplam 168 patates genotipinin moleküler karakterizasyonları yapılmış ve genetik çeşitlilikleri belirlenmiştir. Bu amaçla 10 SSR markörü kullanarak, kapiler elektroforez yöntemiyle genotipleme yapılmış ve Nei genetik mesafe yöntemine göre popülasyon içerisindeki genetik çeşitlilik incelenmiştir. Yapılan genotipleme sonucunda, 10 SSR markörü 168 patates genotipinde toplam 48 skorlanabilir bant oluşturmuştur. Elde edilen 48 banttan 47’si polimorfizm göstermiştir. Kullanılan her bir markörün polimorfik bant sayısı 1 ile 9 arasında değişmiş, ortalama polimorfik bant sayısı 4,7 olarak hesaplanmıştır. Toplam 10 SSR markörünün ortalama polimorfizm oranı ise %95 olarak gerçekleşmiştir. Markörlerin polimorfizm bilgi içeriği (PIC) değeri 0,08 ile 0,42 arasında değişmiş ve ortalama PIC değeri ise 0,28 olarak hesaplanmıştır. İncelenen genotipler içerisinde genetik olarak bir birinden en uzak olanlar, 0,7802 genetik mesafe değerine sahip olan PAE 15-7-19 ile Tiger, PAE 15-6-11 ile Kafkas, PAE 15-7-22 ile Yaprak, PAE 15-7-22 ile Aydos, PAE 15-7-22 ile Yankı, Innovator ile PAE 15-5-8, Nam ile Bettina, Guzine ile PAE 15-5-8 ve Julinka ile Innovator’dur. Birbirine en yakın genotipler 0,0645 genetik mesafe değerine sahip olan Leventbey ile Muratbey ve Bergerac ile Highland B. Red’dır.

Anahtar Kelimeler: Patates (*Solanum tuberosum* L.), genetik çeşitlilik, moleküler karakterizasyon, basit dizi tekrarları (SSR)

